



112408-122.ST25

SEQUENCE LISTING

<110> CARR, Francis Joseph
CARTER, Graham
HAMILTON, Anita Anne
ADAIR, Fiona Suzanne
WILLIAMS, Stephen

<120> METHODS FOR PROTEIN SCREENING

<130> 112408-122

<140> US 09/518,813
<141> 2000-03-03

<150> PCT/GB98/02649
<151> 1998-09-03

<150> US 60/070,063
<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,062
<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,037
<151> 1997-12-30

<150> US 60/070,050
<151> 1997-12-30

<150> GB 9718552.4
<151> 1997-09-03

<150> GB 9719834.5
<151> 1997-09-18

<150> GB 9720184.2
<151> 1997-09-14

<150> GB 9720522.3
<151> 1997-09-29

<150> GB 9720523.1
<151> 1997-09-29
<150> GB 9801255.2
<151> 1998-01-22

<150> GB 9803828.4
<151> 1998-02-25

<150> GB 9720524.9
<151> 1997-09-29

<150> GB 9807760.5
<151> 1998-04-14

<150> GB 9811130.5
 <151> 1998-05-23

 <150> GB 970525.6
 <151> 1997-09-29

 <160> 64

 <170> PatentIn version 3.0

 <210> 1
 <211> 13
 <212> DNA
 <213> Kozak translation initiation sequence consensus

 <400> 1
 gccgccacca tgg

13

<210> 2
 <211> 66
 <212> DNA
 <213> linker sequence between HindIII and Eco RI sites

<400> 2
 agcttggccc agccggccat ggcccaggc caactgcagg agctcgagat caaacggcg 60
 gccgcg 66

<210> 3
 <211> 66
 <212> DNA
 <213> linker sequence between HindIII and Eco RI sites

<400> 3
 aattcgcggc cgccccgttg atctcgagct cctgcagttg gacctgggcc atggccggct 60
 gggcca 66

<210> 4
 <211> 14
 <212> PRT
 <213> amino acid linker sequence

<400> 4

 Glu Gly Lys Ser Ser Gly Ser Gly Ser Glu Ser Lys Val Asp
 1 5 10

<210> 5
 <211> 28

<212> DNA
 <213> primer sequence

<400> 5
 cagctgcagg agtctggggg aggcttag

28

<210> 6
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> primer sequence

<400> 6
 tcagtagacg gtgaccgagg ttccttgacc ccagta

36

<210> 7
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> primer sequence

<400> 7
 gtgacattga gtcacacag tctcct

26

<210> 8
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> primer sequence

<400> 8
 cagcccgttt tatctcgagc ttggtccg

28

<210> 9
 <211> 47
 <212> DNA
 <213> RD 5' HIS primer sequence

<400> 9
 gcggtatccca tatgcaccat catcaccatc accaggtgca gctgcag

47

<210> 10
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 10
 agaatacagg gtccaaatag aatccagggt

30

<210> 11
 <211> 50
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 11
 ctacctataa aaataggcgt atcacgaggc ccttcgtct tcaataattc 50

<210> 12
 <211> 54
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 12
 agcgaattca ccctggattc tatttggacc ctgtattcta cctataaaaa tagg 54

E/
 <210> 13
 <211> 61
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 13
 gtttccctc tagaatacag ggtccaaata gaatccaggg taagaaggag atatacatat 60
 g 61

<210> 14
 <211> 67
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 14
 atatatatgt cgacgaaatt aatacgactc actataggga gaccacaacg gttccctct 60
 agaatac 67

<210> 15
 <211> 50
 <212> DNA
 <213> synthetic oligonucleotide

<400> 15
 atatatatgt cgacgaaatt aatacgactc actataggga gaccacaacg 50

<210> 16
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> forward primer sequence fdig1
 <400> 16
 ccgtatagat ctcaggtcaa actgcaggag tct 33

<210> 17
<211> 66
<212> DNA
<213> reverse primer sequence rdig1

<400> 17
ccgtatagat ctcaggtcaa actgcaggag tctccgtatg gatccccgtt ttatccaa 60
ctttgt 66

<210> 18
<211> 30
<212> DNA
<213> forward primer sequence fox1

<400> 18
ccgtatagag atgtcgtgat gacccaaact 30

E1
<210> 19
<211> 33
<212> DNA
<213> reverse primer sequence rox1

<400> 19
ccgtatggat cctgaggaga cggtgactga ggt 33

<210> 20
<211> 33
<212> DNA
<213> primer sequence m13fl

<400> 20
ccgtatagat ctggcttaa tgaggatcca ttc 33

<210> 21
<211> 33
<212> DNA
<213> primer sequence m13rl

<400> 21
ccgtatctcg agctgtacgc cgttttcatc ggc 33

<210> 22
<211> 33
<212> DNA
<213> primer sequence m13f2

<400> 22
ccgtatgtcg acggcttaa tgaggatcca ttc 33

<210> 23
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence m13r2

<400> 23
 ccgtattgtat cactgttagcg cggtttcatc ggc 33

<210> 24
 <211> 90
 <212> DNA
 <213> primer sequence fdig2

<400> 24
 ccgtatagat ctatggatg gagctgtatc atccctttct tggtagcaac agctacaggt 60
 gtccactccc aggtcaaact gcaggagtct 90

<210> 25
 <211> 90
 <212> DNA
 <213> primer sequence fox2

<400> 25
 ccgtatagat ctatggatg gagctgtatc atccctttct tggtagcaac agctacaggt 60
 gtccactccg atgtcgtat gacccaaact 90

<210> 26
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> oligonucleotide TAR1

<400> 26
 gatcagccag attttagcag c 21

<210> 27
 <211> 21
 <212> DNA
 <213> oligonucleotide TAR2

<400> 27
 gatcgctgct caaatctggc t 21

<210> 28
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence il5f1

<400> 28
 ccgtatagat ctgaaattcc cactagtgc ttg 33

<210> 29
<211> 72
<212> DNA
<213> primer sequence il5r1

<400> 29
ccgtatggat ccgacgtcct caagcttggaa atattatcgatgtatggatgat ggtgatgact 60
ttcttattatc ca 72

<210> 30
<211> 39
<212> DNA
<213> primer sequence il5f2

<400> 30
ccgtatagat ctaagcttga aattcccaact agtgcattg 39

E/

<210> 31
<211> 33
<212> DNA
<213> primer sequence il5r2

<400> 31
ccgtatggat ccactttcta ttatccactc ggt 33

<210> 32
<211> 27
<212> DNA
<213> biotinylated oligonucleotide

<400> 32
ttgaagctct ttgtgacggg cgaactc 27

<210> 33
<211> 17
<212> DNA
<213> primer sequence HuCK FOR

<400> 33
aggcagttcc agatttc 17

<210> 34
<211> 18
<212> DNA
<213> primer sequence scAB

<400> 34
gtgagctcga tgtcatcc 18

<210> 35
<211> 90

<212> DNA
<213> primer sequence TATfor

<400> 35
ccgttatctcg agatggatg gagctgtatc atcctttct tggtagcaac agctacaggt 60
gtccactccg aaccagtcga cccttagactg 90

<210> 36
<211> 21
<212> DNA
<213> primer sequence TATrev

<400> 36
gaattcggat ccttactatt c 21

<210> 37
<211> 28
<212> DNA
<213> primer sequence 340Vhfor

E/ <400> 37
cagctgcagg agtctggggg aggcttag 28

<210> 38
<211> 36
<212> DNA
<213> primer sequence 340Vhbck

<400> 38
tcagtagacg gtgaccgagg ttccttacc ccagta 36

<210> 39
<211> 26
<212> DNA
<213> primer sequence 340Vkför

<400> 39
gtgacattga gtcacacag tctcct 26

<210> 40
<211> 27
<212> DNA
<213> primer sequence 340Vkbck

<400> 40
cagcccggtt tatctcgagc ttggtcc 27

<210> 41
<211> 39
<212> DNA

<213> primer sequence 340 scFvfor

<400> 41

ccgtatacat ctatggaaat gcagctgcag gagtctggg

39

<210> 42

<211> 33

<212> DNA

<213> primer sequence 340scFvrev

<400> 42

ccgtatggat cctgcagcca cagtcgttt gat

33

<210> 43

<211> 33

<212> DNA

<213> forward primer sequence fox1

<400> 43

ccgtatacat ctgatgtcgt gatgacccaa act

33

E1

<210> 44

<211> 33

<212> DNA

<213> reverse primer sequence rox1

<400> 44

ccgtatggat cctgaggaga cggtaactga ggt

33

<210> 45

<211> 32

<212> DNA

<213> forward primer sequence pCANTAB5

<400> 45

ccgtatggat ccgcggccca gccggccatg gc

32

<210> 46

<211> 33

<212> DNA

<213> reverse primer sequence pCANTAB5

<400> 46

ccgtatggat cccccgtgat ggtgatgtg atg

33

<210> 47

<211> 33

<212> DNA

<213> primer sequence il5f1

<400> 47

ccgtatagat ctgaaattcc cactagtgc a ttg	33
<210> 48	
<211> 66	
<212> DNA	
<213> primer sequence il5rl	
<400> 48	
ccgtatggat ccgacgtcct caagcttgg a tattatcac ccggactt ctattatcca	60
ctcggt	66
<210> 49	
<211> 66	
<212> DNA	
<213> primer sequence il5r2	
<400> 49	
ccgtatggat ccgacgtcct caagcttgg a taccgggc catggactt ctattatcca	60
ctcggt	66
<i>E1</i>	
<210> 50	
<211> 33	
<212> DNA	
<213> forward primer sequence fdig1	
<400> 50	
ccgtatagat ctcaggtcaa actgcaggag tct	33
<210> 51	
<211> 33	
<212> DNA	
<213> reverse primer sequence rdig1	
<400> 51	
ccgtatggat ccccgttta tttccaactt tgt	33
<210> 52	
<211> 33	
<212> DNA	
<213> primer sequence PL1for	
<400> 52	
ccgtatccat gggatggaa agattgtgg aac	33
<210> 53	
<211> 33	
<212> DNA	
<213> primer sequence PL1bck	

<400> 53
 ccgtatcccg gggatacatc gtgtaagaat cta 33

<210> 54
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence PL2for1

<400> 54
 ccgtatcccg ggtaatgatc catcagttgg aaa 33

<210> 55
 <211> 33
 <212> DNA
 <213> primer sequence PL2for2

<400> 55
 ccgtataagc cttaatgatc catcagttgg aaa 33

El
 <210> 56
 <211> 31
 <212> DNA
 <213> primer sequence PL2bck1

<400> 56
 ccgtataagc ttttattttt taaataccac c 31

<210> 57
 <211> 37
 <212> DNA
 <213> primer sequence PL2bck2

<400> 57
 ccgtatgaat tcaagctttt attttgtaaa taccacc 37

<210> 58
 <211> 8
 <212> PRT
 <213> FLAG epitope

<400> 58

Met Asp Tyr Lys Asp Asp Asp Lys
 1 5

<210> 59
 <211> 53
 <212> DNA
 <213> primer RD 5' FLAG

<400> 59
 gcgatccca tatggactac aaagacgatg acgacaaaaca ggtgcagctg cag 53

<210> 60
 <211> 35
 <212> DNA
 <213> primer RD3'

<400> 60
 gcgaattcgt ggtgggtggt gttgggtgtgac tctcc

35

<210> 61
 <211> 19
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 61
 ggaaacagct atgaccatg

19

E |<210> 62
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 62
 ccatcctaat acgactcact atagggc

27

<210> 63
 <211> 52
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<220>
 <221> misc_feature
 <222> 51
 <223> n = A,T,C or G

<220>
 <221> misc_feature
 <222> 52
 <223> n = A,T,C or G

<400> 63
 ttctagaatt cagcggccgc tttttttttt tttttttttt tttttttttt nn

52

<210> 64
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 64
cggtttccct ctagaaata

19